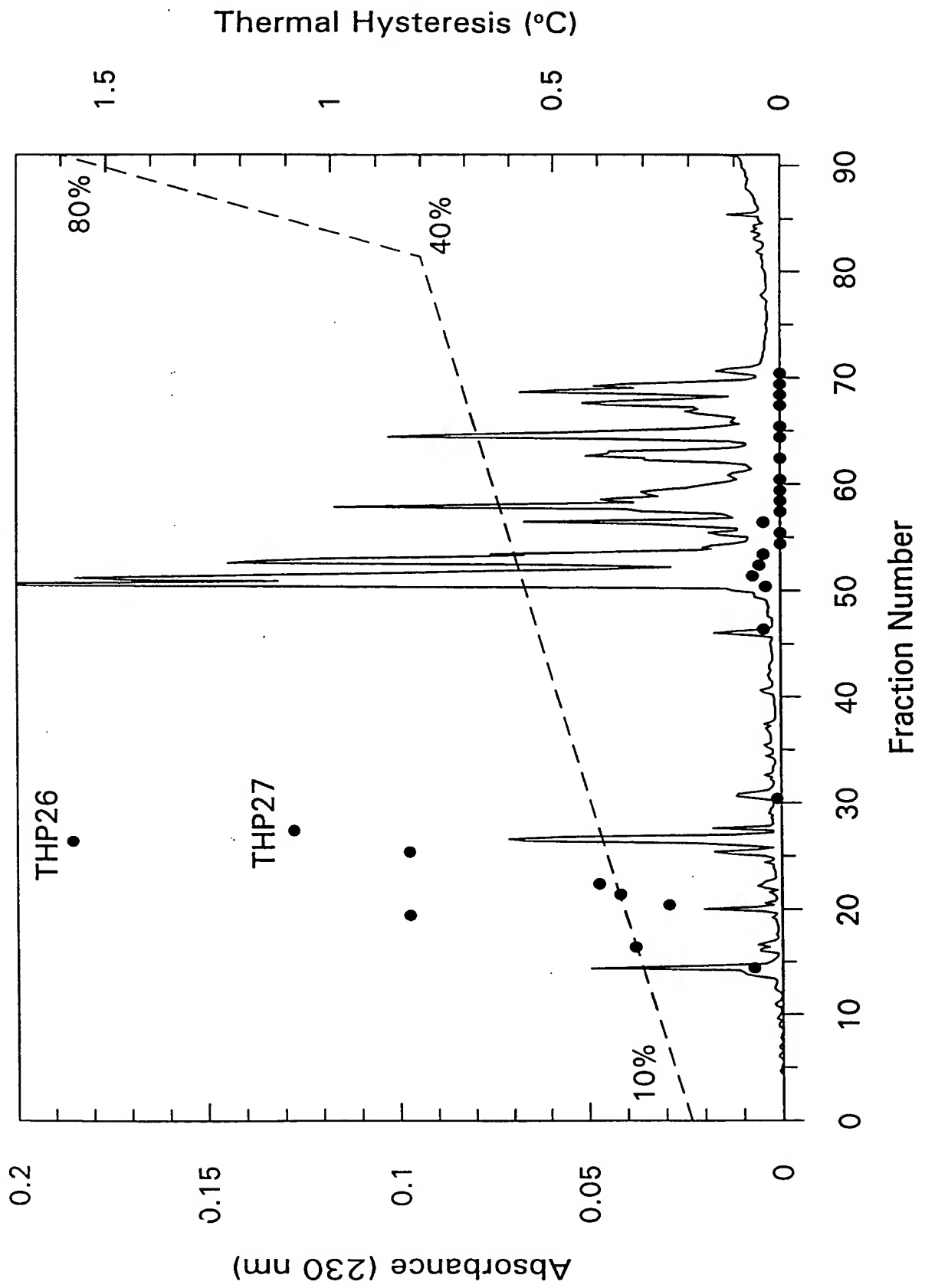


Figure 1

Figure 2



[REDACTED]

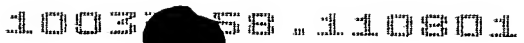


Figure 4

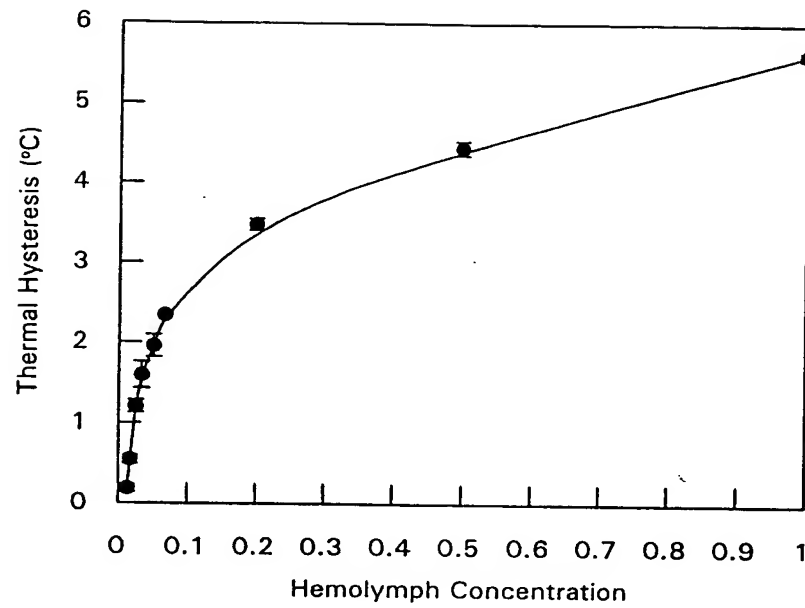


Figure 5

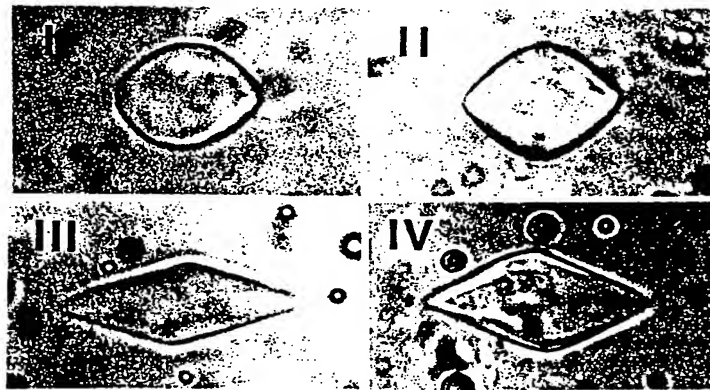


Figure 6 (1/3)

```

YL-1  TAAACAGCGAGATAAACAACAATACTACATAAAACTATGGCGTTCAAAACGTGTGGTTTTTC
YL-2              AAACAATATTACAAAAAACTATGGCATTCAAAACGTGTGGTTTTTC
YL-4              CAAAAAAGTATGTCATTCAAAATAAGTACTTTTAC
YL-3              AAACAACAATATTACAAAAAACTATGGCATTCAAAACGTGTGGTTTTTC
5-15  AAACAGCGAGATAAACAACAATATTACAAAAAACTATGGCATTCAAAACGTGTGGTTTTTC
      ***** ** **** *

```

```

YL-1
YL-2
YL-4      5' UNTRANSLATED REGION
YL-3
5-15
      M  A  F  K  T  C  G  F  S
      .  .  .  .  .  .  .  .
      .  S  .  .  I  S  T  .  T
      .  .  .  .  .  .  .  .
      .  .  .  .  .  .  .  .

```

```

YL-1  AAAAAAATGGTTAGTAATAGCAGTTATAGTTATGTGTTTGTGTACCGAGTGTATTGCCAC
YL-2  AAAAAAATGGTTAGTAATAGCAGTTATAGTTATGTGTTTGTGTACCGAGTGTATTGCCAA
YL-4  AAAAATCTGGTTAATTATAGCAGTTATCGTTATGTGTTTGTGTACCGAGTATAATTGCCAG
YL-3  AAAAAAATGGTTAATAATAGCAGTTATAGTTATGTGTTTGTGTACCGAGTATTGCCAA
5-15  AAAAAAATGGTTAATAATAGCAGTTATAGTTATGTGTTTGTGTACCGAGTGTATTGCCAA
      ***** * *****

```

```

YL-1      K  K  W  L  V  I  A  V  I  V  M  C  L  C  T  E  C  Y  C  H
YL-2      .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  Q
YL-4      .  I  .  .  I  .  .  .  .  .  .  .  .  N  .  Y  N  .  Q
YL-3      .  .  .  .  I  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  Q
5-15      .  .  .  .  I  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  Q

```

```

YL-1  TGCACTGGGGGTGCTGATTGTACTAGTTGTACAGATGCATGCACTGGTTGTGGAAATTGTC
YL-2  TGCACTGGGGGTGCTGATTGCACTAGTTGTACAGGAGCATGCACTGGTTGTGGAAACTGTC
YL-4  TGCACTGGGGGTGCTGATTGTACTAGTTGTACAGCAGCATGCACTGGTTGTGGAAACTGTC
YL-3  TGCACTGGGGGTGCTGATTGTACTAGTTGTACAGCAGCATGCACTGGTTGTGGAAAGTTGTC
5-15  TGCACTGGGGGTGCTGATTGTACTAGTTGTACAGCAGCATGCACTGGTTGTGGAAAGTTGTC
      ***** *****

```

```

YL-1      C  T  G  G  A  D  C  T  S  C  T  D  A  C  T  G  C  G  N  C
YL-2      .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  G  .  .  .  .  .  .  .
YL-4      .  .  .  A  .  .  .  .  .  .  A  .  .  .  .  .  .  .
YL-3      .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  A  .  .  .  .  S  .  .
5-15      .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  A  .  .  .  .  S  .  .

```

```

YL-1  CAAATGCACATACGTGTACCGATTCCAAAAATTGTGTCAAGGCAGCA-----
YL-2  CAAATGCAGTAACGTGTACCAATTCTCAACATTGTGTCAAGGCAAAT-----
YL-4  CAAATGCAATAACGTGTACCGTTCTAAAAATTGTGTCAAGGCAGCA-----
YL-3  CAAATGCGCATACGTGTACCGATTCTAAAAATTGTGTCAAGGCAGAAACGTGTACCGATTC
5-15  CAAATGCGCATACGTGTATCGATTCTAAAAATTGTGTCAAGGCAGAAACGTGTACCGATTC
      ***** * *****

```

```

YL-1  P  N  A  H  T  C  T  D  S  K  N  C  V  K  A  A  -----
YL-2  .  .  .  V  .  .  .  N  .  Q  H  .  .  .  N  -----
YL-4  .  .  .  I  .  .  .  G  .  .  .  .  R  .  T  -----
YL-3  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  .  R  .  E  T  C  T  D  S
5-15  .  .  .  .  .  .  I  .  .  .  .  .  R  .  E  T  C  T  D  S

```

FIGURE 6 (2/3)

```

YL-1 -----ACATGTACTGGATCTACAAAATGTAATACCGCCAGGACG
YL-2 -----ACATGTACTGGGTCTACAGATTGTAATACAGCCCAGACG
YL-4 -----ACATGTACTGGGTCTACAAACTGTAATAGAGCCACGACG
YL-3 TGA AAAATTGTGTCAAGGCACATACATGTACTGGATCTAGAAACTGTAATACAGCCATGACG
5-15 TGA AAAATTGTGTCAAGGCACATACATGTACTGGATCTAGAAACTGTAATACAGCCATGACG
                ***** * * * * *
YL-1 ----- T C T G S T K C N T A R T
YL-2 ----- . . . . . D . . . Q .
YL-4 ----- . . . . . N . . R . T .
YL-3 E N C V K A H . . . . . R N . . M .
5-15 E N C V K A H . . . . . R N . . M .

YL-1 TGTACAAACTCAAAGACTGTTTTGAAGCCAAAACATGTACTG-----
YL-2 TGTACAAACTCAAAGACTGTTTTGAAGCCAAACATGTACTG-----
YL-4 TGTACAAATTCAAAGGCTGTTTAGAAGCCACAACATGTACTGGGTCTACACACTGTCATA
YL-3 TGTACAAACTCAAAGACTGTTTTGAAGCCAAAACATGTACTG-----
5-15 TGTACAAACTCAAAGACTGTTTTGAAGCCAAAACATGTACTG-----
                *****
YL-1 C T N S K D C F E A K T C T -----
YL-2 . . . . . . . N . . -----
YL-4 . . . . . G . L . . T . . G S T H C H
YL-3 . . . . . . . . . . -----
5-15 . . . . . . . . . . -----

YL-1 -----
YL-2 -----
YL-4 GAGCCACGACGTGTACAAATTCAAAGACTGTTTTGAAGCCACAACATGTACTGGCTCAAG
YL-3 -----
5-15 -----

YL-1 -----
YL-2 -----
YL-4 R A T T C T N S K D C F E A T T C T G S S
YL-3 -----
5-15 -----

YL-1 -----ACTCAACCAACTGTTACAAAGCTACAGCCTGT
YL-2 -----ACTCAACCAACTGTTACAAAGCTACAGCCTGT
YL-4 CAACTGTTACACTGCTACAACATGTACTAACTCAACCAACTGTTACAAAGCTACAGCCTGT
YL-3 -----ACTCAACCAACTGTTACAAAGCTACAGCCTGT
5-15 -----ACTCAACCAACTGTTACAAAGCTACAGCCTGT
                *****
YL-1 ----- D S T N C Y K A T A C
YL-2 ----- . . . . . . . . . .
YL-4 N C Y T A T T C T N . . . . .
YL-3 ----- . . . . . . . . . .
5-15 ----- . . . . . . . . . .

```

FIGURE 6 (3/3)

YL-1 ACCAATTCAACAGGATGTCCCGGACATTAAGTTTTTCTATTGTCAACAAT--AATAAAACA  
 YL-2 ACCAATTCATCAGGATGTCCCGGACATTAAGTTTTTCTATTGTCAACAAT--CATAAAACA  
 YL-4 ACCAATTCAACAGGATGTCCCGGACATTAGGTTTTTTTATTGTCAACAATAAAATAAAACA  
 YL-3 ACCAATTCAACAGGATGTCCCGGACATTAAGTTTTTCTATTGTCAACAAT--AATAAAACA  
 5-15 ACCAATTCAACAGGATGTCCCGGACATTAAGTTTTTCTATTGTCAACAAT--AATAAAACA  
 \*\*\*\*\*

YL-1	T	N	S	T	G	C	P	G	H	▼	
YL-2	.	.	.	S	.	.	.	.	.	.	
YL-4	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
YL-3	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	
5-15	.	.	.	.	.	.	.	.	.	.	

3' UNTRANSLATED REGION

YL-1 CACTTACTGTTATCTTAGCTAAAACATAATTGTAAGC-TCACTCTGTTTTGTATCCTATCT  
 YL-2 CAATTATTGTTAGCTAAGTTAAACT---CTGTA-----TTGTATCCGATC-----T  
 YL-4 AAACGTTCCTTATCTAAGCTAAAACATAAATGTAAACGTTAATTTGTATTCTATCCGATCT  
 YL-3 C-GGAGGGATAGTCTAAGCTAAAACATAATTGTAAGC-TTACTCTGTATTGTATCCGATCT  
 5-15 C-GGAGGGATAGTCTAAGCTAAAACATAATTGTAAGC-TTACTCTGTATTGTATCCGATCT  
 \* \*\* \* \*\*\*\*\* \*\*\*\* \* \* \* \*

YL-1 GTCTCT--GCCTCCGAAGGATGATAATTTTGTACTGGGAGCGAAAGGTTTATCCGACAATA  
 YL-2 GTCTCTTTGCCTCCCAAGGATGATAATTTTGTACTGGGAGCGAAAGGTTTATCCGACAATA  
 YL-4 GTCCCTTTGCGCCCTAAGGA---TAATTTTGTACAGGGAGAGAAAAGGCTATCCGACAATA  
 YL-3 GTCTCTTTGCCTCCCAAGGATGATAATTTTGTACTGGGAGCGAAAGGTTTACCGACAATA  
 5-15 GTCTCTTTGCCTCCCAAGGATGATAATTTTGTACTGGGAGCGAAAGGTTTACCGACAATA  
 \*\*\* \*\* \* \* \*\*\*\*\* \*\*\*\*\* \* \* \* \*

YL-1 ATA-----AACTAAAATAATTGATATAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
 YL-2 ATA-----AACTAAAATAATTGATATAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
 YL-4 ATA-----AACATTGTTAATATACATAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
 YL-3 ATAATTAATAAACTAAA-TAATTG--ATAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
 5-15 ATAATTAATAAACTAAAATAATTGATATAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
 \*\*\* \*\* \* \*\*\*\*\* \*\*